**\*\*\* ATENCIÓN: hay que pasar este archivo a PDF cuando se hayan linkeado los enlaces correspondientes señalados en el texto.**

**PREGUNTAS FRECUENTES ACERCA DE LOS SERVICIOS DE RUTINA**

**Tengo una proteína que quisiera identificar por espectrometría de masa. ¿Cuáles son los requisitos para este estudio?**

Los dos principales requisitos para identificar proteínas por mapeo peptídico por espectrometría de masa son que la proteína provenga de un organismo secuenciado (o que su secuencia sea conocida por el usuario) y que la cantidad sea suficiente (del orden de varios pmoles de muestra, ej. un spot claro de commassie). Solo podremos obtener información de secuencia de una proteína si está depositada o si tiene parte de la secuencia común con otras proteínas homólogas secuenciadas.

**Tengo una banda de una proteína separada en un gel mono-dimensonal. ¿Uds. pueden identificarla por espectrometría de masa?**

Solamente se realizan identificaciones de proteínas separadas por geles mono-dimensionales si se tratan de proteínas previamente purificadas. A partir de mezclas muy complejas separadas únicamente por un gel monodimensional solo podrá identificarse la proteína mayoritaria. No realizamos este análisis ya que es muy trabajosa la identificación y no se logran los resultados esperados. Si éste es su caso le recomendamos realizar un gel bidimensional para separar la(s) proteína(s) de interés.

**¿Uds. realizan secuenciación N-terminal?**

No realizamos secuenciación N-terminal,  la cual habitualmente se realiza por el método de Edman. La información de secuencia que obtenemos por fragmentación de péptidos trípticos es por comparación con fragmentaciones teóricas de  péptidos en bases de datos. Por lo tanto solo podremos obtener alguna información de secuencia de una proteína si está depositada en bancos de datos o en caso de que tenga parte de la secuencia común con otras proteínas homólogas depositadas en bancos de datos. Tampoco realizamos secuenciado “*de novo*” de péptidos trípticos como análisis de rutina.

**El organismo de donde aíslo mi proteína está secuenciado. ¿Uds. pueden confirmar la secuencia total de mi proteína?**

Podemos fragmentar e identificar solo los péptidos que se observan en un espectro de masa de una digestión enzimática. Esto puede variar entre 5 a 80% de la secuencia total de una proteína dependiendo de varios factores (ej. longitud de los péptidos generados, secuencia, cantidad total de muestra, complejidad de la muestra, etc.). Por lo tanto, solo podemos confirmar algunas secuencias de la estructura primaria de la proteína. Es excepcional poder confirmar 100% de la secuencia.

**¿Cómo se puede enviar una banda/spot para ser analizadas?**

Para el envío lo mejor es cortar cada spot con el mayor cuidado posible para evitar contaminación con queratina y colocarlo en un eppendorf® sin ningún otro agregado.

**¿Cuáles son las recomendaciones para preparar y enviar la muestra?**

Por favor, lea [**Guía de preparación de muestras**](http://joomla.pasteur.edu.uy/index.php/es/plataformas-tecnologicas-m-invest/unidad-de-bioquimica-y-proteomica-analiticas/serviciosubypa/guia-para-la-preparacion-de-muestrasubypa).

Antes de enviar las muestras es importante completar el formulario correspondiente al tipo de análisis solicitado (y que está disponible *on line*) y enviarlo al correo <ubypa@pasteur.edu.uy>, ya que contiene información muy importante para el correcto procesamiento de las muestras (ingresar a **[Servicios](http://joomla.pasteur.edu.uy/index.php/es/plataformas-tecnologicas-m-invest/unidad-de-bioquimica-y-proteomica-analiticas/serviciosubypa)**)

**¿Cuánto cuesta el análisis?**

Los precios de los servicios de rutina se encuentran disponibles**[Precios](http://joomla.pasteur.edu.uy/index.php/es/plataformas-tecnologicas-m-invest/unidad-de-bioquimica-y-proteomica-analiticas/serviciosubypa/preciosubypa)**.

**¿Cómo se realiza el pago del servicio?**

La unidad no gestiona el cobro del servicio. Una vez que la muestra haya sido analizada y el usuario reciba el resultado del análisis, la Administración del Institut Pasteur de Montevideo se contactará con Ud. por este asunto.